

ОТЗЫВ

официального оппонента на диссертацию Шпака Ивана Михайловича на тему:
«Генотипирование штаммов возбудителя гистоплазмоза», представляемую на
соискание ученой степени кандидата медицинских наук по специальности 03.02.03 -
микробиология

Актуальность темы диссертационного исследования.

Для успешной борьбы с гистоплазмозом необходимы глубокие знания о строении генома *Histoplasma capsulatum*, а также разработка новых молекулярно-генетических подходов для отслеживания циркуляции штаммов и проведения внутривидового типирования изолятов. Несмотря на успехи в изучении эпидемиологии заболевания и строения генома *H. capsulatum*, многие параметры естественной изменчивости и процесса внутривидовой микроэволюции остаются невыясненными. Актуальность работы И.М. Шпака обусловлена не только необходимостью расширения фундаментальных знаний о структуре геномов возбудителя гистоплазмоза, но и потребностью совершенствования молекулярно-генетических подходов во внутривидовой дифференциации штаммов *H. capsulatum*, учитывая возможность появления в РФ завозных случаев заболевания у лиц, пребывающих из эндемичных регионов.

Раздел "актуальность проблемы" дает представление о современном состоянии вопроса и логично подводит читателя к цели и задачам исследования.

Степень обоснованности научных положений, выводов и рекомендаций, сформулированных в диссертации.

Диссертантом вынесено на защиту четыре положения, которые последовательно обоснованы в рецензируемой рукописи и публикациях по теме диссертации. Все 5 выводов основаны на продуманном плане работ, сочетании классических микробиологических и современных молекулярно-генетических методов исследований, достаточном объеме фактического материала.

Достоверность и новизна научных положений, выводов и рекомендаций, сформулированных в диссертации.

Достоверность полученных результатов опирается на статистическую обработку и не противоречит современным научным данным. Научные положения и выводы, изложенные в диссертации, вытекают из результатов проведенных исследований и подтверждены фактическим материалом.

Научная новизна заключается в разработке и использовании метода анализа отличающихся регионов ДНК, так называемого DFR-анализа, для внутривидовой

