

Сведения

об официальном оппоненте по диссертации Никифорова Константина Алексеевича
«Научное обоснование и разработка комплексной системы молекулярно-генетической дифференциации штаммов *Yersinia pestis*», представленной на соискание ученой степени доктора медицинских наук по специальности 1.5.11 – Микробиология

<p style="text-align: center;">Фамилия, имя, отчество официального оппонента</p>	<p style="text-align: center;">Полное наименование организации, являющейся основным местом работы официального оппонента и занимаемая им должность, структурное подразделение</p>	<p style="text-align: center;">Ученая степень (шифр специальности, по которой защита диссертация), ученое звание</p>	<p style="text-align: center;">Список основных публикаций официального оппонента по теме диссертации в рецензируемых научных изданиях за последние 5 лет (не более 15 публикаций)</p>
<p>Мокроусов Игорь Владиславович</p>	<p>Заведующий лабораторией молекулярной эпидемиологии и эволюционной генетики, Федеральное бюджетное учреждение науки «Санкт- Петербургский научно- исследовательский институт эпидемиологии и микробиологии им. Пастера»</p>	<p style="text-align: center;">доктор биологических наук (микробиология 1.5.11 [03.00.07])</p>	<p>1: Mokrousov I, Vyazovaya A, Pasechnik O, Gerasimova A, Dymova M, Chernyaeva E, Tatarintseva M, Stasenko V. Early ancient sublineages of <i>Mycobacterium tuberculosis</i> Beijing genotype: unexpected clues from phylogenomics of the pathogen and human history. <i>Clin Microbiol Infect.</i> 2019 Aug;25(8):1039.e1-1039.e6. doi: 10.1016/j.cmi.2018.11.024.</p> <p>2: Skiba Y, Mokrousov I, Nabirova D, Vyazovaya A, Maltseva E, Malakhova N, Ismagulova G, Pole I, Ranka R, Sapiyeva Z, Ismailov S, Moffett D. <i>Mycobacterium tuberculosis</i> RD-Rio Strain in Kazakhstan. <i>Emerg Infect Dis.</i> 2019 Mar;25(3):604-606. doi: 10.3201/eid2503.181179.</p> <p>3: Mokrousov I, Akhmedova G, Polev D, Molchanov V, Vyazovaya A. Acquisition of bedaquiline resistance by extensively drug-resistant <i>Mycobacterium tuberculosis</i> strain of Central Asian Outbreak clade. <i>Clin Microbiol Infect.</i> 2019 Oct;25(10):1295-1297. doi:</p>

			<p>10.1016/j.cmi.2019.06.014.</p> <p>4: Sharma NC, Efstratiou A, Mokrousov I, Mutreja A, Das B, Ramamurthy T. Diphtheria. <i>Nat Rev Dis Primers</i>. 2019 Dec 5;5(1):81. doi: 10.1038/s41572-019-0131-y.</p> <p>5: Mokrousov I, Sinkov V, Vyazovaya A, Pasechnik O, Solovieva N, Khromova P, Zhuravlev V, Ogarkov O. Genomic signatures of drug resistance in highly resistant <i>Mycobacterium tuberculosis</i> strains of the early ancient sublineage of Beijing genotype in Russia. <i>Int J Antimicrob Agents</i>. 2020 Aug;56(2):106036. doi:10.1016/j.ijantimicag.2020.106036.</p> <p>6: Vyazovaya A, Proshina E, Gerasimova A, Avadenii I, Solovieva N, Zhuravlev V, Narvskaya O, Mokrousov I. Increased transmissibility of Russian successful strain Beijing B0/W148 of <i>Mycobacterium tuberculosis</i>: Indirect clues from history and demographics. <i>Tuberculosis (Edinb)</i>. 2020 May;122:101937. doi: 10.1016/j.tube.2020.101937.</p> <p>7: Mokrousov I, Vyazovaya A, Levina K, Gerasimova A, Zhuravlev V, Viiklepp P, Kütt M. Spatiotemporal dynamics of drug-resistant <i>Mycobacterium tuberculosis</i>: Contrasting trends and implications for tuberculosis control in EU high-priority country. <i>Transbound Emerg Dis</i>. 2021 Mar;68(2):896-906. doi: 10.1111/tbed.13758.</p> <p>8: Mokrousov I, Akhmedova G, Molchanov V, Fundovnaya E, Kozlova E, Ostankova Y, Semenov A, Maslennikova N, Leontev D, Zhuravlev V, Turkin E, Vyazovaya A. Frequent acquisition of bedaquiline resistance by epidemic extensively drug-resistant <i>Mycobacterium tuberculosis</i> strains in Russia during long-term treatment. <i>Clin Microbiol Infect</i>. 2021</p>
--	--	--	--

			<p>Mar;27(3):478-480. doi:10.1016/j.cmi.2020.08.030.</p> <p>9: Mokrousov I. Ubiquitous and multifaceted: SIT53 spoligotype does not correlate with any particular family of <i>Mycobacterium tuberculosis</i>. <i>Tuberculosis (Edinb)</i>. 2021 Jan;126:102024. doi: 10.1016/j.tube.2020.102024.</p> <p>10: Vinogradova T, Dogonadze M, Zabolotnykh N, Badleeva M, Yarusova I, Vyazovaya A, Gerasimova A, Zhdanova S, Vitovskaya M, Solovieva N, Pasechnik O, Ogarkov O, Mokrousov I. Extremely lethal and hypervirulent <i>Mycobacterium tuberculosis</i> strain cluster emerging in Far East, Russia. <i>Emerg Microbes Infect</i>. 2021 Dec;10(1):1691-1701. doi: 10.1080/22221751.2021.1967704..</p> <p>11: Mokrousov I, Vyazovaya A, Sinkov V, Gerasimova A, Ioannidis P, Jiao W, Khromova P, Papaventsis D, Pasechnik O, Perdigão J, Rastogi N, Shen A, Skiba Y, Solovieva N, Suffys P, Tafaj S, Umpeleva T, Vakhrusheva D, Yarusova I, Zhdanova S, Zhuravlev V, Ogarkov O. Practical approach to detection and surveillance of emerging highly resistant <i>Mycobacterium tuberculosis</i> Beijing 1071-32-cluster. <i>Sci Rep</i>. 2021 Nov 1;11(1):21392. doi: 10.1038/s41598-021-00890-7.</p> <p>12: Mokrousov I, Pasechnik O, Vyazovaya A, Yarusova I, Gerasimova A, Blokh A, Zhuravlev V. Impact of pathobiological diversity of <i>Mycobacterium tuberculosis</i> on clinical features and lethal outcome of tuberculosis. <i>BMC Microbiol</i>. 2022 Feb 8;22(1):50. doi: 10.1186/s12866-022-02461-w.</p> <p>13: Mokrousov I, Slavchev I, Solovieva N, Dogonadze M, Vyazovaya A, Valcheva V, Masharsky A, Belopolskaya O, Dimitrov S, Zhuravlev V, Portugal I, Perdigão J, Dobrikov GM. Molecular Insight into</p>
--	--	--	---

		<p>Mycobacterium tuberculosis Resistance to Nitrofuranyl Amides Gained through Metagenomics-like Analysis of Spontaneous Mutants. <i>Pharmaceuticals (Basel)</i>. 2022 Sep 12;15(9):1136. doi: 10.3390/ph15091136.</p> <p>14: Mokrousov I, Vyazovaya A, Shitikov E, Badleeva M, Belopolskaya O, Bespiatykh D, Gerasimova A, Ioannidis P, Jiao W, Khromova P, Masharsky A, Naizabayeva D, Papaventsis D, Pasechnik O, Perdigão J, Rastogi N, Shen A, Sinkov V, Skiba Y, Solovieva N, Tafaj S, Valcheva V, Kostyukova I, Zhdanova S, Zhuravlev V, Ogarkov O. Insight into pathogenomics and phylogeography of hypervirulent and highly-lethal Mycobacterium tuberculosis strain cluster. <i>BMC Infect Dis</i>. 2023 Jun 23;23(1):426. doi: 10.1186/s12879-023-08413-7.</p> <p>15. Mokrousov I, Vinogradova T, Dogonadze M, Zabolotnykh N, Vyazovaya A, Vitovskaya M, Solovieva N, Ariel B. A multifaceted interplay between virulence, drug resistance, and the phylogeographic landscape of Mycobacterium tuberculosis. <i>Microbiol Spectr</i>. 2023 Sep 28:e0139223. doi: 10.1128/spectrum.01392-23.</p>
--	--	--

Мокроусов Игорь Владиславович
доктор биологических наук

Ученый секретарь
Трифорова Галина Федоровна
к.м.н.



Место печати

19.10.2023